



## RETTIFICA 01/2023 - BANDO DI CONCORSO DSP/BS/19/2023

**Oggetto:** Bando di selezione pubblica per n°1 Borsa di studio pubblicato con Decreto 01-DSP/BS/19/2023 – **Rettifica oggetto di ricerca.**

Si comunica a tutti gli interessati che per mero errore materiale nel bando di concorso in oggetto è stato inserito il seguente oggetto di ricerca:

*“Gli acidi nucleici provenienti dal CTC(circulating cell free tumor) stanno acquistando rilevanza clinica sempre maggiore e sono estremamente utili come biomarkers per la rilevazione del tumore, per il monitoraggio della terapia target e per l'immunoterapia. I programmi di screening per il cancro colon-rettale in Europa utilizzano il Test Immunochimico Fetale (FIT) come screening primario. Pazienti FIT+ vengono eletti per un'immediata colonscopia, con valore predittivo positivo (PPV) del 25%. Questo studio si propone di utilizzare il saggio “ColoScape” per la rilevazione delle mutazioni nei geni APC, KRAS, BRAF e CTNNB1, in modo da raccogliere dati preliminari e pianificare in futuro uno studio su una più larga popolazione. Il saggio verrà testato su campioni di sangue raccolti prospettivamente e ottenuti da pazienti FIT+ arruolati nel programma di screening CRC dell'ASL Napoli 3 Sud, utilizzando una colonscopia come conferma”*

**mentre l'oggetto di ricerca del bando DSP/BS/19/2023 corrispondente al/ai progetto/i convenzione/i che finanziano l'incarico risulta il seguente:**

*“Negli ultimi anni la medicina di precisione ha svolto un ruolo fondamentale nella gestione clinica dei pazienti affetti da tumori solidi. In questo scenario, un numero rapidamente crescente di biomarcatori predittivi è stato approvato nella pratica diagnostica o è attualmente oggetto di studi clinici. Un ostacolo nei test molecolari è rappresentato dal campione diagnostico di routine disponibile per analizzare i biomarcatori predittivi; un campione di tessuto scarso rappresenta spesso l'unica fonte diagnostica di acidi nucleici con cui condurre l'analisi molecolare. Alla luce di queste criticità, questo studio si propone di valutare l'utilizzo di una piattaforma di sequenziamento di nuova generazione, completamente automatizzata, per la caratterizzazione di alterazioni molecolari clinicamente rilevanti che consentano una definizione dei percorsi terapeutici personalizzati con farmaci a bersaglio molecolare per pazienti affetti da tumori solidi”.*

**RESTANO INVARIATI GLI ALTRI CONTENUTI.**

Napoli, 03/11/2023

Distinti saluti.

**Il Direttore**  
**Prof. Giancarlo Troncone**